

## PROVVEDIMENTO DI NOMINA DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE

**PER LA PROCEDURA AI SENSI DELL' ART. 36 COMMA 2 LETTERA B) DEL D.LGS. n. 50/2016 CON MODALITÀ TELEMATICA SU PIATTAFORMA ASP CONSIP PER L'AFFIDAMENTO DI UN SERVIZIO DI SEQUENZIAMENTO MASSIVO DI CAMPIONI BIOLOGICI, CPV - 73111000-3**

GARA N.: 2741627  
CIG: 8602392672

### IL DIRETTORE

**VISTO** il provvedimento di decisione di contrattare prot. n. 0000096 del 25/01/2021, con il quale l'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche ha disposto l'espletamento di una gara per l'affidamento di un Servizio di Sequenziamento Massivo di campioni biologici, CPV - 73111000-3, nell'ambito del Progetto "Intersla", del Progetto "Finalizzata NutBrain", del Progetto "Prin2017-2017E3A2NR", del Progetto "Prin2017-2017HWPZZZ" con importo a base di gara € 100.000,00 (IVA esclusa);

**VISTO** l'Art. 95 comma 6 del D.Lgs. 18 aprile 2016, n. 50 e s.m.i e dato atto che l'affidamento del lotto avverrà mediante applicazione del criterio dell'offerta economicamente più vantaggiosa individuata sulla base del miglior rapporto qualità prezzo;

**VISTO** l'art. 77, comma 1, del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i. e dato atto che nelle procedure di aggiudicazione di contratti di appalti o di concessioni, limitatamente ai casi di aggiudicazione con il criterio dell'offerta economicamente più vantaggiosa la valutazione delle offerte dal punto di vista tecnico ed economico deve essere affidata ad una commissione giudicatrice, composta da esperti nello specifico settore cui afferisce l'oggetto del contratto;

**VISTO** il Comunicato del Presidente ANAC del 15/07/2019 di sospensione dell'operatività dell'Albo dei Commissari di gara di cui all'art. 78 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i., e considerato che per l'individuazione dei componenti della Commissione giudicatrice si è reso necessario valutare le professionalità rinvenibili all'interno dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche tra gli esperti nello specifico settore cui si riferisce l'oggetto del contratto;

**CONSIDERATO** che è scaduto il termine per la presentazione delle offerte, fissato alle ore 20:00 del 22/02/2021, ed è quindi possibile procedere alla nomina dei commissari nel rispetto dell'art. 77, comma 7 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

**CONSIDERATO** che i commissari devono essere nominati nel rispetto delle disposizioni di cui all'art. 77, commi 4, 5 e 6, del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

**PRESO ATTO** della disponibilità degli interessati nel seguito indicati, dei loro curricula, nonché delle loro dichiarazioni di insussistenza di conflitto di interessi e di cause di incompatibilità ai sensi degli artt. 42 e 77 commi 4, 5 e 6, del D.Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

**RITENUTE** le competenze professionali dei soggetti individuati idonee ad effettuare la valutazione delle offerte dal punto di vista tecnico ed economico, ai sensi dell'art. 77, comma 1, del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

**VALUTATA** la necessità di provvedere alla nomina come indicato in oggetto;

### **DISPONE**

- Di nominare i sottotitoli soggetti, sulla base della valutazione delle competenze ed esperienze specifiche possedute, che non hanno svolto alcun'altra funzione o incarico tecnico o amministrativo relativamente al contratto del cui affidamento si tratta, quali componenti della Commissione giudicatrice della gara di cui trattasi:
  - Dott.ssa Roberta Bordoni, ricercatrice dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche, in qualità di Presidente;
  - Dott.ssa Eleonora Mangano, ricercatrice dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche, in qualità di Componente;
  - Dott.ssa Clarissa Consolandi, ricercatrice dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche, in qualità di Componente.
- di nominare, a supporto delle attività della Commissione giudicatrice, il Segretario Sig.ra Loredana Ansalone, Collaboratore Tecnico E.R., dipendente dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del Consiglio Nazionale delle Ricerche, la quale possiede le competenze necessarie a svolgere tale ruolo;
- di allegare, quale parte integrante del presente atto, i curricula dei 3 membri della Commissione giudicatrice, come sopra individuati, per gli adempimenti di cui all'art. 29, comma 1, del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;
- di prendere atto che il presente provvedimento non comporta impegno di spesa.

**Il Direttore**  
**dell'Istituto di Tecnologie Biomediche**  
*Dott. Gianluca De Bellis*

Bordoni Roberta

## WORK EXPERIENCE

- 12/2020 - Present RUP in National Register of CNR according to art..31 of D.Lgs. 18 April 2016, n. 50"  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 02/2016 - Present RUP (Single Proceedings Manager) of the "Genomics" group according to art. 10 of Legislative Decree 163/2006  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 02/2016 - Present Coordinator and Head of the "Genomics" Research Unit  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 02/2009 - present Permanent position as full-time researcher in reference to the competition notice no. 364.13 (code field MI100/1) according to the provisions of art. 1, paragraph 645 of 27 December 2006, n. 296  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 2006- 2009 Fixed-term researcher according to art. 23 of Presidential Decree 171/91  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 2004-2006 Grant fellowship on research program FIRB-Nanotechnology  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 2001-2003 Fixed-term researcher according to art. 23 of Presidential Decree 171/91  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 1999-2001 Training course-Biosearch Italy S.p.A.- Ministry of University Scientific and Technological Research  
Institute of Biomedical Technologies (ITB)-National Research Council, Milan
- 1996-1999 Research fellowship  
Laboratory of Molecular Biology-Institute of Clinical Neurology, University of Milan
- 1995-1996 Research fellowship  
Neuroimmunology Laboratory - Institute of Clinical Neurology, University of Milan
- 1994-1995 Post-graduate training  
Neuroimmunology Laboratory - Institute of Clinical Neurology, University of Milan
- 1992-1994 Undergraduate training  
Laboratory of Applied Molecular Biology-S.Raffaele Hospital, Milan

## EDUCATION AND TRAINING

- 2006 PhD in Molecular Medicine, Curriculum Genomics & Proteomics  
Thesis in DNA microarray technology

University of Milan

1995 Qualification for the profession of biologist

University of Milan

1994 Degree in Biological Sciences  
Thesis in applied molecular biology

University of Milan

1988 Scientific high school diploma  
Liceo Scientifico "Pascal", Abbiategrasso (MI)

## PERSONAL SKILLS

Mother tongue(s) Italian

Other language(s)

	UNDERSTANDING		SPEAKING		WRITING
	Listening	Reading	Spoken interaction	Spoken production	
English	B1	B1	B1	B1	B1
French	B2	B2	B2	B2	B2

Levels: A1/A2: Basic user - B1/B2: Independent user - C1/C2 Proficient user  
Common European Framework of Reference for Languages

Communication skills Good communication skills gained through my experience as speaker at scientific conferences and seminars for doctoral students.

Organisational / managerial skills Since 2016 I'm Coordinator and RUP of the "Genomics" research group as having all the professional requirements and experience required by the specific nature of the functions related to these roles.

Job-related skills In the past, I focused my research activity on molecular biology and biotechnology, with particular attention to the microarray technology applied for biomedical analysis, environmental diagnostics and food analysis. Since 2005 I gained expertise in the NGS protocols (Target Resequencing, Whole Exome Sequencing, Whole Genome Sequencing) combined with Target Enrichment approach, using 454 Roche and Illumina platforms, in several fields of application. Recently, I'm approaching to transcriptomic analysis (in bulk and at single-cell level) in the study of rare genetic and neurodegenerative diseases.

Computer skills Good knowledge of Windows XP, Office package (Word, Excel, Power Point, Adobe Photoshop), Internet browsing programs and basic command of bioinformatic data analysis tools.

Driving licence B

## ADDITIONAL INFORMATION

Scientific publications **In peer-reviewed international journals**

Total ISI publications: 38  
with First name: 7  
with Last name/Corresponding: 1

Total non ISI publications: 6  
with First name: 0  
with Last name/Corresponding: 0

H-index (Font: Scopus) 21  
N° of citations 1240

18/02/2021



**ESPERIENZA PROFESSIONALE**

- Febbraio 2018 - oggi  
Ricercatrice con Contratto a Tempo Determinato nell'ambito del Progetto Single-cell analyses of lymphocytes that infiltrate autoimmunity sites: dissecting immunological mechanisms of rheumatoid arthritis.  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di analisi bioinformatica di dati di sequenziamento genomico massivo (WES e WGS) per l'identificazione di varianti genetiche e dati trascrittomici (RNAseq) in "bulk" ed a singola cellula.
- Marzo 2017 – Febbraio 2018  
Ricercatrice con Contratto a Tempo Determinato nell'ambito del Progetto Single-cell analyses of lymphocytes that infiltrate autoimmunity sites: dissecting immunological mechanisms of rheumatoid arthritis.  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI).  
Attività di analisi e integrazione di dati derivati da esperimenti di RNA-seq, Chip-seq e microbioma intestinale.
- Marzo 2015 – Febbraio 2017  
Ricercatrice con Assegno di Ricerca nell'ambito del Progetto bandiera NanoBreastImaging – NANOMAX dal titolo "Functionalized nanoparticles in the detection and treatment of mammary adenocarcinoma".  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di analisi bioinformatica di dati NGS derivati da esperimenti di genomica e trascrittomici
- Marzo 2014 – Febbraio 2015  
Ricercatrice con Assegno di Ricerca nell'ambito del progetto "Sviluppo di metodologie di indagine genomica basate su piattaforme tecnologiche ad alta produttività – Modulo Epigenomica (EPIGEN) e Tecnologie ad Array".  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di analisi e sviluppo di metodologie bioinformatiche di dati derivati da piattaforme tecnologiche di sequenziamento ultramassivo e tecnologie ad array.
- Ottobre 2011 – Febbraio 2014  
Ricercatrice con Assegno di Ricerca nell'ambito del progetto finanziato dalla Fondazione CARIPLO "From Genome to Antigen: a Multidisciplinary Approach towards the Development of an Effective Vaccine Against Burkholderia pseudomallei, the Etiological Agent of Melioidosis - Vaccini" - prot. 2009/3577  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di analisi bioinformatica di dati di sequenziamento ultramassivo
- Marzo 2009 – Settembre 2011  
Ricercatrice con Contratto di collaborazione Coordinata e Continuativa a Progetto, presso l'Istituto di Tecnologie Biomediche - CNR, Segrate (MI), nell'ambito del progetto FIRB Grandi Laboratori "Laboratorio Nazionale sulle nanotecnologie per Genomica e Post-Genomica - NG\_Lab", prot. RBLA03ER38\_004.  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI).  
Attività di analisi bioinformatica e statistica di dati di analisi genetica tramite tecnologie microarray
- Febbraio 2007 – Gennaio 2009  
Ricercatrice con Assegno di Ricerca presso l'Università degli Studi di Milano, nel programma di ricerca "Sicurezza Agroalimentare: protocolli diagnostici ed innovazione

tecnologica per il benessere e la prevenzione delle malattie”, Progetto Safe-eat  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di sviluppo di tecnologie informatiche nell’ambito del settore della diagnostica molecolare e clinica per l’analisi trascrizionale e per lo studio della variabilità genetica ad alta definizione.

- Gennaio 2004 –Settembre 2005      Ricercatrice con Contratto di collaborazione coordinata e continuativa a Progetto, Università degli Studi di Milano, nell’ambito del progetto FIRB “Identificazione di alterazioni molecolari per la diagnosi e la prognosi del carcinoma renale con tecniche Genomiche e Proteomiche”, prot. RBNE01HCKF\_002,  
Consiglio Nazionale delle Ricerche – Istituto di Tecnologie Biomediche - via Fratelli Cervi, 93 Segrate (MI)  
Attività di elaborazioni bioinformatiche di dati genomici relativi alla variazione del numero di copie cromosomiche (CNV) e alla perdita di eterozigosità (LOH). Analisi bioinformatica e statistica dei profili di espressione genica ottenuti da piattaforme microarray.
- 1998 - 2002      **Impiegata**  
Società LSG Sky Chef S.p.A Malpensa (VA)  
Attività di Controllo di Qualità
- 1997 - 1998      **Impiegata**  
Nuclear Laser Medicine Settala (MI)  
Attività di Product Specialist per la diagnostica di laboratorio
- 1996 - 1997      **Tirocinio pratico**  
Ospedali Riuniti di Reggio Calabria  
Tirocinio laboratorio di analisi

#### ATTIVITA' DIDATTICA

- 12 Marzo 2015      **Lezione di Dottorato**  
“Exome sequencing per l’identificazione di varianti genetiche: l’analisi dati”  
Università degli Studi di Milano – Dip. Medicina Molecolare e Traslazionale
- 25 - 27 Ottobre 2010:      **Corso di aggiornamento**  
“Virtual Karyotyping attraverso la tecnologia SNP-array: analisi dati”  
Centro Congressi IST, Genova
- 25 - 27 Ottobre 2010:      **Lezione di Dottorato**  
“Esempi applicativi della bioinformatica applicata all’analisi di espressione genica”  
Università degli Studi di Milano – Dip. Medicina Molecolare

#### ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- 2009      **Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare**  
Università degli Studi di Milano
- 2004      **Laurea Specialistica in Bioinformatica**  
Università degli Studi di Milano-Bicocca
- 1997      **Diploma di Abilitazione all’esercizio della professione di Biologo**  
Università degli Studi di Messina
- 1996      **Laurea in Scienze Biologiche indirizzo Fisi-Patologico**  
Università degli Studi di Messina

**COMPETENZE PERSONALI**

Lingua madre	Italiano				
Altre lingue	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	B2	B2	B1	B1	B2

**Competenze comunicative**

Possiedo buone competenze comunicative acquisite durante le diverse esperienze lavorative e non

**Competenze professionali**

- Analisi di geni e microRNAs differenzialmente espressi da sequenziamento ultra-massivo in bulk e a singola cellula
- Analisi di arricchimento funzionale e analisi di network
- Analisi di variazione di numero di copie del DNA (CNV) e perdita di eterozigotità (LOH) a partire da dati microarray e NGS
- Analisi dati di NGS derivanti da catture geniche-esomiche e WGS per l'individuazione di varianti a singolo nucleotide (SNV), variazioni del numero di copie (CNV) e perdita di eterozigotità (LOH) in malattie mendeliane e in ambito oncologico

**Competenza digitale**
**AUTOVALUTAZIONE**

Elaborazione e delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Utente avanzato	Utente avanzato	Utente autonomo	Utente autonomo	Utente autonomo

Durante la mia attività lavorativa ho acquisito ottima padronanza e autonomia nell'utilizzo:

- Sistema operativo Windows Unix
- Microsoft Office (Word, Excel, Publisher, Power Point e Access)
- Programmazione in R a livello intermedio
- Bash e AWK a livello intermedio
- PERL a livello elementare.
- Ottima conoscenza di software e strumenti per l'analisi statistica e bioinformatica

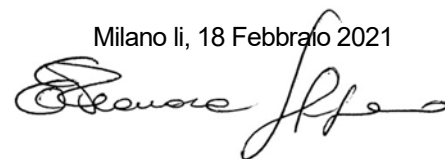
Patente di guida	B
------------------	---

**ULTERIORI INFORMAZIONI**

Pubblicazioni scientifiche	22
H-index (Font: Scopus)	15
N° di citazioni	673

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali.

Milano li, 18 Febbraio 2021







# Curriculum Vitae

## Clarissa Consolandi



**Macroarea of competence**

**GENOMICS, TRANSCRIPTOMICS, METAGENOMICS**

### Professional Experience

Date	2009 – today
Occupation or position held	Permanent position as full-time Researcher III professional Level – at the Institute of Biomedical Technologies, National Research Council, Segrate (MI) (Italy), involved in high-tech approaches in Genomic/Transcriptomic/Metagenomic field (microarrays technologies / ultramassive sequencing / single-cell sequencing).
Main activities and responsibilities	<p>Scientific Responsible for a Collaboration entitled “Exploring transcriptional single-cell signatures in a mouse model of epilepsy caused by a polyalanine expansion mutation in Aristaless-related homeobox gene” with Institute of Genetics and Biophysics “Adriano Buzzati-Traverso”, CNR, Naples (2018 – today)</p> <p>Participation in a three-years PRIN Project, entitled “Microbiota nasale, inquinamento dell'aria e bronchiolite: il buono, il brutto e il cattivo” (PRIN-BUG) (2019-2022)</p> <p>Participation in a three-years PRIN Project, entitled “Development of a biotechnological nanoparticle platform for the delivery of antitumor therapies using Patient Derived-Organoid library of Breast Cancer” (2019-2022)</p> <p>Participation in a three-years HUB Regione Lombardia Project, entitled “INnovazione, nuovi modelli TEcnologici e Reti per curare la SLA (INTERSLA) (2019-2022)</p> <p>Participation in a two-years Finalizzata Project, entitled “A `System Epidemiology' Approach to Explore the Complex Relationship between Nutrition and Brain Aging” (2019-2021)</p> <p>Scientific Responsible for ITB-CNR for a two-years Cariplo “Identification of molecular mechanisms leading to activation of pathogenic Th1/17 cells by pathobionts and gut microbiota in Crohn’s disease: a new target for therapeutic strategies.” (PaThOs-17), Bando “Biomedical Research for Young Researcher” (2018-2019)</p> <p>Scientific Responsible for ITB-CNR for a three-years Cariplo Project, “Xenogenetics of drinking water: Microbiome and Resistome analyses for the improvement of water safety assessment tools (XenoMicroResist) (2016-2018)</p> <p>Participation in a one-year Progetto Bandiera Interomics “Cell - based Omics for research applications in precision medicine”, entitled “Epigenome and Transcriptome profiling of human iPS cells to identify new therapeutic biomarkers involved in Myotonic Dystrophy Type-1 (MIMOSA) “(2018)</p> <p>Participation in a three-years Progetto Bandiera NANOMAX entitled “Functionalized nanoparticles in the detection and treatment of mammary</p>



adenocarcinoma: PET/SPET imaging and complementary transcriptomic and proteomic approach” (2012-2017) (DFM.AD005.058) – Prot 0001038 del 10/10/2012

Participation in a three-years Project, supported by FRRB, entitled “Single-cell analyses of lymphocytes that infiltrate autoimmunity sites: dissecting immunological mechanisms of rheumatoid arthritis” (01/01/2017-31/12/2019) FRRB LYRA\_Rif. 2015/0010 – Convenzione Prot. ITB n. 0002743 del 21/12/2016.

Responsible for the control of the maintenance service for Laboratory of “Technology and sequencing” ITB-CNR, via Cervi 93, 20090 Segrate (MI) 2018 – today

Employer Institute of Biomedical Technologies, National Research Council, via Cervi 93, 20090 Segrate (Mi)

Field of activity Single-cell sequencing activity by 10X Genomics platform for the characterization of the molecular states of individual cells through their transcriptional profiles. This approach, differently from the in “bulk” RNA-seq, allows studying cell-to-cell variability in terms of transcriptomic dynamics and cellular heterogeneity

Ultra-massive sequencing activity, by Illumina and Roche platforms, of

- metagenomes [Human Microbiome (Gut, Oral, Nasal, Vaginal and Rectal Microbiome); Animal Microbiome (GM studies in model mice; GM exploration in bottlenose dolphins as peculiar GM-host configuration; Environmental Microbiome)
- eukaryotic and prokaryotic transcriptomes
- entire prokaryotic genomes
- particular regions of interests

## Education and training

Date	<b>2004</b>
Title of qualification awarded	PhD in Molecular Medicine, Curriculum Genomics & Proteomics”, at the Department of Biomedical Technology, University of Milan, with the discussion of the thesis “DNA microarrays technology applied to polymorphisms detection in HLA complex”
Main subjects / occupational skills covered	Genomics, Molecular Biology
Organization providing education and training	University of Milan
Date	<b>2000</b>
Title of qualification awarded	Master Degree in Biology at the University of Milan, with the discussion of the thesis “DNA microarrays technology applied to mutations and polymorphisms detection”
Main subjects / occupational skills covered	Molecular Biology

Organisation providing education and training

University of Milan

Date

1993

Title of qualification awarded

Classical High school Diploma (Liceo Classico "S. Weil" di Treviglio (BG)).

**Organizational / managerial skills**

Good communication skills are gained during didactic and academic activities in participation of National and International Congresses, in organization of National Congresses, during lessons to students from Universities and PhD Schools. Organizational and managerial skills are acquired as Scientific Responsible and as Participant in different Projects. Tutoring skills are achieved as Tutor for experimental thesis for Master Degree in Biology at the University of Milan.

**Job-related skills**

Wide experience in molecular biology and biotechnology, focusing the attention mainly on microarrays, ultra-massive sequencing and single-cell platforms through the exploration of methodological and technological hurdles in Genomic and Transcriptomic fields.

Wide experience on ultra-massive sequencing technology (GS-FLX and Junior, by Roche and Genome Analyzer Iix and MiSeq System, by Illumina), by different protocols regarding the entire genome sequencing, the resequencing of particular regions of interest, the evaluation of transcriptome amplification methods, the development of innovative technologies to study gene expression profiling of high antibiotic producing microorganisms, the metagenomics analysis.

Genomic and Transcriptomic analysis in Prokaryotes: sequencing of the whole genomes of different microorganisms; study of their gene expression profiles through RNA sequencing

Studies regarding the human gut, oral, rectal and vaginal microbiome (GM), in particular in the study of adaptation of the GM to different diets and lifestyles; in the analysis of the correlation between GM and health and human diseases and the characterization of the GM.

Single-cell transcriptomics in Exploring transcriptional single-cell signatures in a mouse model of epilepsy caused by a polyalanine expansion mutation in Aristaless-related homeobox gene by 10X Genomics platform.

**h-index scopus 26**

**h-index google scholar 32**

*La sottoscritta Clarissa Consolandi, ai sensi del D.lgs 196/2003 sulla riservatezza dei dati personali, dichiara di essere stata compiutamente informata delle finalità e modalità del trattamento dei dati personali consapevolmente forniti nel presente curriculum e di autorizzarne l'utilizzo e l'archiviazione in banca dati. Il presente curriculum vitae ha funzione di dichiarazione sostitutiva di atto notorio e di autocertificazione ai sensi del DPR n.445 del 28/12/2000.*

Segrate, 18/02/2021

Firma